

REPLACEMENT FIGURE 15

FIGURE 15.

Promoter 6 :

(SEQ ID NO: 25)

GATCTCTCCCGAAGAAG

CTAAACGAGTAAAGTTTAGCACGATTGAGACCACACTGACCCATAGCAGTCCAATGAGC
TACGGAAGGCCCTAGGGCTTGAGGCTTGATGAGCGCGTGGTGAATAGCGTTTGAATCTA
AAGTTCGGTTTGGTACGACTTGTAATATGAAATAATAATGTACAAAGAAGTTCTACGCT
TAAGGGAAGTGTGTTTGGTGTGAGCTTTGTATTAGGACGTCTAGTGTACAACAACGAACG
TCGTGTATAAGCGATCGTTGACTCTGCACATGTAACCTTTTCCTGAATAAAAAATCTTT
AAGTCTTTAATTTCTACATCTTTTAGGATTATATAAACGTTACTATATAAATAAAAAAG
AAAAAAAATCAGTTCACATAACATGCGAGACTTTGGGCTAAATATAGTG**ATTCCAAAGA**
AAATGAGTTATAATATTAATTAATATAAAGCTCATTTCCTTTGGAATATCGTTATAAGA
ATATTTTAACCTGGATATAACTGGGCTTACGCCATTTGCATCTCGAGGATTTTTTGT
TTGTTTTTGTTTTTTTAATACATTCTCGCACTTACACACTAAAAATCATAATGATCTTC
TTAATTCCTTTAGCGGAACCACCAATTAATCTTTTTATTAAGAACTTTATTACTTATTT
ACTTATTTGTGCATACGTGCATTATTTTGGCAGTAACAAATATCGCGTTATATATACTG
AAATCCGGACGCATTAATAATAGGGATATGATTATATGAACCACTATCTAGCTTTGGTA
GAAACCAATTATAATCAAATAATTTACCATTATTGAATAAATTAGGCTATATAAGTTC
ATTAATAGATGCTATAGGTTTTTCTTACAAGGCACACATTTGATTGTTATTTTCTTTCA
TATACACTGAATGTACATGTGTACACTTGGCATAACATGGCAAGATTATGTGTTACAATA
TAGACTGTGCCATTGCCATGCAATGTGACTCCTGTGGCCATTTCTATCACAATGTGTCA
ATCTTGGAGTATCCGTTGTTTATCCTCTAATTTACTGATTAATTTATGAACATGTATAA
TTATTTATATCATATGATCTCGTAAGATATCTTAGCATTTTCCACCATATGTTATTAGT
AAATCATCTAGATGGATTGATGTAAATAGGAAAGTTAAATTAACACACCAAAAAAGTAA
CTGATTAAAAGCATACAACCTAATATTCAGATTATGGTAACTAAATCAGTCTCATGCAA
ACTCCAAAAAATTATACGAGTCACAACCTCTTGATTTTTTTCCGGTTAAACAAAATACAT
ATTTTCATTTGTATGCAACCAGAATAAAACACTAATCTCCTTTAAATACCATTTTC
CCTACGAGTCTACGACGCTCTCTAACTTCTTATACAAAACAAAACACACCC

AAATATG

(SEQ ID NO: 26)

Query: 1 ATTCCAAAGAAAATGAGTTATAATATTAATTAATATAA-AGCTCATTTCCTTTGGAAT 57

|||||

Sbjct: 57 ATTCCAAAGAAAATGAGCTTTA-TATTAATTAATATTATAACTCATTTCCTTTGGAAT 1

(SEQ ID NO:61)

REPLACEMENT FIGURE 16

FIGURE 16

Promoter 14 :

(SEQ ID NO: 27)

CATCTCTGCAAATCAAACCTTATTATTAAGCTACATTTACATAGTGTCCTTATAATTCT
CATGACATAGCAACATTATTAAACGACAACCTTTCTAGCTTCATTTAAAATGGAAAATCA
CATAACACTCACATTAACATACTAACATAACACTCACATTACCGACTAGCATATAAAT
GGATATTGATATAACAATAATCCCCCAAATTTATGTCTATTTTGTTCATTATGCAAATG
TCCCCAAAATGATATATCTTGAAAGTACTAACCGGAGACGAGGGTCGAGGTATAGAAGT
GATTTGGTTCGAACCGAAATGAGGAACCCGGGTTTGGACACCAGGAGCATTTTGGTAATC
ATCCAAATCAGGGTCATAGTACAACATCATTCGATCGCTGAAGCACCTGGTGAAGGGAG
ACAATAACACTGCTGCATCGAACCATAGCCTAAACCATCCACCACTCTTCTTATGAATC
GGATATAACCAGCTGCTACACCAGACACTACTTGGCTTGTATTCTCTGTCCAGCCGTAC
CTCTAGCTGGTTACCTCCGTTTCTTGGAACCAGAAATCAAAGGGTACACGTTGCTACCCA
CAGCTTGACACATCGAGGTCATCGTCACCACAACGAGTATCGCTATGACTACCGAATAA
TGTGAAGATATTTTTTTCATTTTTCGTTCTAAGAAACAGACTCTCATGGTCATGGATCTA
TGCAGAAAGCTGGAGATTTGAAGAAAAAGGTCCATTGAATTTGAAAAACAGAGTAGTAT
CTTAAAACGTAAGGCTTAAGATAAGTAGTATATGGTGGATATGGAACCCGCGTAATCAT
CTAGAGGCTCTACAAATATTTATTTTGTATTTCTTCTTATTTTGTATTTGCCTACGTG
GCATTATACAACGTATTTAACTTGAAACCAGATTTATGGCCC**AATGGGTCGGGTCGACC**
CGACCGATTTTAAACTGCGCTCCTAACTAAAAAAAGTCAAAACCCCTTTGAAAAACCTA
AAAACGCAATTTGCTTCGTCGTCTCTCATCTCTTCTCTTCTCTCCG

TCGCCACC**ATG**TTTGAGTACCGGTGCAGCTC

(SEQ ID NO: 28)

Query: 1 AATGGGTCGGGTCGACCCGACCGATT 26

|||||

Sbjct: 26 AATCGGTCGGGTCGACCCGACCCATT 1

(SEQ ID NO: 62)

FIGURE 17

(SEO ID NO: 29)

AGGGACTAGGAACCTTAAGAAAAACAAAGTCATCAAAAAACAAAAAAAAGTT

GTGAGAAATTCATGAGACTCTTAGAAATGTAAATAGTTTGATTGTAAGAAATGTGGT
TTTTAAGAAGATAATTGCAAACTCAGAAAGGATTTACAAAAACAATTCTGAAATC
TTTCCTGAATTTTCGTAAAATCCTTTCTAAATTTTAGAAAATTATTATTGAATGATTTT
ACGAAATTTCCGGAAGAATCTATAAAATTCAGGAAAGATATCA TAAAAATTTATGAAGAG
TTATACACAACAAAAGAAATTTTTGAATTTTCATGAAATCCTTCGTAATTGCTTACATT
CCTTCCTAAATTTTGTA AAAATTCCTTCCTGGATTTTCTTTTGCGAGAAAATAGGGGCATA
TATTTTTTTACGGGAAATTTTTTGACGAAAACCTATTTTGCGCGAAAAAATTGTCAGGAA
TTTTTGGAATGAATATGTGTATTTTTTTTAATTGTTAATTTTAATAATAAAAATAAAATA
GTTATCTGAATGTTATTTATGTCAAAAAAAATATGAATGCTATTTTTGTCTTAAAAAC
TTAAAATTGTACTATTTGAAGGAATTTTCATTTTATTTTATTAATGTGATTAGATTTATA
ATTAAATATAATTAAATGATTGTAAATACTAACTTAAATTCCTATTTATAAACATAAAG
TAATATTTTAATTTTCTTTAATTAAAAATACATATTTTATTTTCATAATTTATTTTGCTT
TTTTTTTTTTTTTAGTTTTTGATTTATTTTTTAAACATATAATATGAGTATATGACTATATG
ACATAGCATATTGGTTTATTTTGATTAGATAGAAAAAGAGACGGGTGAATAAAAGGGTT
TAATACTATGGTGAACCCAAGTATATATCGTCCATAACAAAACACTATATAATTGAGG
TTTGTAGATTGTGCAACACGTGTGGGCATATCAGCTTGTAGGATTGCCACATACATTA
TCATGAGAAGCTTCCACCAGAATAAAGCAAAACAAAAAACTCCGAAAGCGGAGAGAACA
AGGAAAACCTGAAAAACCATTGTGAAGTATAGTCCTTGATGC

ATGGATTCAATCAACAAGATCATCAACTTCTTGTTTCCTCTCT

(SEQ ID NO: 30)

Query: 1 TGAAATCTTTCCTGAATTCGTAAAATCCTTCTAAATTTTAGAAAATTATTATTTGAAT 60

|||||
Sbjct: 109 TGATATCTTTCTGAATTTTATAGATTCTTTCCGAAATTCGTAAATCATTCAAATAAT 50

(SEQ ID NO: 63)

Query: 61 GATTTTACGAAATTTTCGGAAAGAATCTATAAAATTCAGGAAAGATATCA 109

Sbjct: 49 AATTTTCTAAAATTTAGAAAGGATTTTACGAAATTCAGGAAAGATTTC 1